**2025 한국식물분류학회 Technical Workshop**

**Long-read Nanopore sequencing의 활용한 식물 미토콘드리아 유전체 결정**

**참가 신청서**

* 본 워크숍에서는 참가자 각자가 준비한 식물 생체 시료를 활용하여 고분자 DNA(High-Molecular-Weight, HMW) 추출을 직접 실습합니다.
* 총 16명의 참가자가 2인 1조(총 8개 조)를 구성하여 실험을 진행할 예정으로, 조별로 조원들이 사전에 연락하여 공동으로 실험할 식물 시료 하나를 선정해야 합니다.

**※ 식물이 심겨진 화분을 가져오는 것이 가장 바람직하며, 불가능할 경우에는 하루 전에 채취한 잎을 냉장 보관하여 가져오는 것도 가능합니다. 단, 건조 표본 시료는 사용할 수 없습니다.**

* 실험을 통해 추출된 HMW DNA는 정량 및 정성 분석을 거쳐, 8개조로부터 추출된 시료들 중 추출 품질이 가장 우수한 시료 4개를 선정하여 Nanopore sequencing을 진행합니다.

**※ 총 2개의 flow cell이 사용되며, flow cell당 2개 시료가 탑재됩니다.**

* 본 워크숍을 통해 완성된 식물 미토콘드리아 유전체는 워크숍 이후 참가자 전원이 공동저자로 참여하는 논문 출판을 목표로 하고 있습니다.

**※ 본 행사는 교육 목적으로 기획되었으나, 약 1,000만 원 규모의 예산으로 고비용 실험이 포함되어 있는 만큼, 생성된 데이터를 학술적으로 의미 있게 활용하고자 합니다.**

* 아래 내용을 작성하셔서 [koreaplant@gmail.com](mailto:koreaplant@gmail.com)로 신청하시면 됩니다.

|  |  |
| --- | --- |
| **참가자 이름:** |  |
| **소속(대학/기관):** |  |
| **학과/부서:** |  |
| **연구실 책임자(교수/선임연구자):** |  |
| **전화번호:** |  |
| **이메일:** |  |
| **실험을 원하는 분류군:** |  |
| **분류군의 유전체 크기**  **(알려져 있다면):** |  |
| **실험관련 기타 특이사항이나 요청사항이 있으면 말씀해 주세요** |  |

**※ 참가 신청자가 16명을 초과할 경우, 참가 기관의 다양성을 고려하여 대학/기관별로 참가 인원을 조정할 수 있습니다. 이 점 미리 양해 부탁드립니다.**